

The effect of insulin-like growth factor-1 on the proliferation of goat spermatogonial stem cells (SSCs) in vitro

Torabi M, Rahimi-Feyli P*, Moghaddam AA

Department of Clinical Sciences, Faculty of Veterinary Medicine, I.R. Iran.

Received: 2022/05/1 | Accepted: 2023/05/10

Abstract:

Background: This study aimed to the effect of insulin-like growth factor-1 on the proliferation of goat spermatogonial stem cells (SSCs) in vitro.

Materials and Methods: The testicles of immature goats were obtained from slaughterhouse. Isolation of spermatogonial cells was performed by two-step digestion. The isolated cells were cultured in 4 different groups: 3 groups by adding different doses of IGF-1 (10, 40 and 100 ng/ml) to the basic medium (DMEM containing 5% fetal bovine serum and 1% antibiotic) and the control group (without IGF-1). Data were analyzed by one-way ANOVA and Tukey test at 5% level. Presence of SSCs at the end of culture was determined by reverse transcription polymerase chain reaction (RT-PCR) for several important spermatogonial markers (PGP9.5, THY-1, PLZF, Oct4 and VASA) and immunohistochemical staining against PGP9.5 antigen.

Results: In this study, the number of spermatogonial cell colonies in treatment 3 was significantly higher than the control and other treatment groups on days 4, 7, and 10 of culture ($P<0.05$). Also, the surface area of G10 colonies on days 7 and 10 of culture was significantly different ($P<0.05$). The surface area of G100 on days 4, 7, and 10 after culture was significantly higher than control, G10 and G40 ($P<0.05$). The isolated cells expressed all surface markers related to stem cells.

Conclusion: According to this results, the addition of 100 ng/ml IGF-1 to culture medium for promoting colonization of goat Spermatogonial stem cells is recommended.

Keywords: Insulin-like growth factor-1, stem cells, Goat, Spermatogonia, RT-PCR

***Corresponding Author**

Email: peymanrahimi@razi.ac.ir

Tel: 0098 833 832 4525

Fax: 0098 833 832 0041

Conflict of Interests: No

Feyz, Journal of Kashan University of Medical Sciences, June, 2023; Vol. 27, No 2, Pages 154-163

Please cite this article as: Torabi M, Rahimi-Feyli P, Moghaddam AA. The effect of insulin-like growth factor-1 on the proliferation of goat spermatogonial stem cells (SSCs) in vitro. *Feyz* 2023; 27(2): 154-63.

تأثیر فاکتور رشد شبه‌انسولین-۱ بر تکثیر سلول‌های بنیادی اسپرماتوگونی بز در شرایط آزمایشگاه

میلاد ترابی^۱، پیمان رحیمی^{*۲}، علی اصغر مقدم^۳

خلاصه:

سابقه و هدف: هدف از انجام مطالعه حاضر ارزیابی تأثیر فاکتور رشد شبه‌انسولین-۱ بر تکثیر سلول‌های اسپرماتوگونی بز در محیط آزمایشگاه بود.

مواد و روش‌ها: بیضه بز نابلغ از کشوارگاه گرفته و جداسازی سلول‌های اسپرماتوگونی به روش هضم دومرحله‌ای انجام شد. سلول‌های اسپرماتوگونی در محیط کشت DMEM حاوی ۵ درصد سرم گوساله جنینی و ۱ درصد آنتی‌بیوتیک (بنی‌سیلین - استرپتومایسین) کشت داده شد و به گروه شاهد و تیمارهای ۱، ۱۰، ۴۰ و ۱۰۰ نانوگرم بر میلی لیتر فاکتور رشد شبه‌انسولین-۱ اضافه گردید. داده‌ها با آزمون آنالیز واریانس یک‌طرفه و آزمون تکمیلی توکی در سطح ۵ درصد آنالیز شدند. جهت شناسایی سلول‌های اسپرماتوگونی از رنگ‌آمیزی ایمونو‌هیستوشیمی علیه آنتی‌ژن PGP9.5 و همچنین آزمون RT-PCR نشانگرهای THY-1، VASA، OCT-4 (PGP9.5)، plzf، UCHL-1 استفاده شد.

نتایج: تعداد کلونی‌های سلول‌های اسپرماتوگونی در تیمار ۳ در مقایسه با گروه شاهد و دیگر تیمارها در تمامی روزهای ارزیابی (۴، ۷ و ۱۰)، به طور معنی‌داری بیشتر بود. مساحت کلونی‌های تیمار ۱ در روزهای ۷ و ۱۰ کشت، اختلاف معنی‌داری را با تیمار ۲ و گروه شاهد نشان داد. همچنین مساحت کلونی‌های تیمار ۳ در روزهای ۴، ۷ و ۱۰ پس از کشت نسبت به گروه شاهد، تیمار ۱ و تیمار ۲ به طور معنی‌داری بیشتر بود. سلول‌های جدادشده تمامی نشانگرهای سطحی، مربوط به سلول‌های بنیادی را بیان کردند.

نتیجه‌گیری: برای کشت کوتاه‌مدت سلول‌های بنیادی اسپرماتوگونی بز در شرایط آزمایشگاه، افزودن فاکتور رشد شبه‌انسولین-۱ با دوز ۱۰۰ نانوگرم بر میلی لیتر پیشنهاد می‌شود.

واژگان کلیدی: فاکتور رشد شبه‌انسولین-۱، سلول بنیادی، اسپرماتوگونی بز، RT-PCR

دوماهنامه علمی - پژوهشی فیض، دوره بیست و هفتم، شماره ۲، خرداد - تیر ۱۴۰۲، صفحات ۱۶۳-۱۵۴

مقدمه

سلول‌های بنیادی اسپرماتوگونی (SSCs)، تنها رده سلول‌های بنیادی در میان سلول‌های زایا هستند. این سلول‌ها ظرفیت بسیار زیادی برای انجام تقسیم خودنویسازی و تولید مداوم اسپر در طول عمر جنس نر دارند [۱]. این سلول‌ها قابلیت این را دارند که اسپرماتوژنر را متعاقب آسیب بیضه ناشی از قرارگرفتن در معرض مواد سمی، مواد شیمیایی و اختلالات فیزیکی، از سر بگیرد. همچنین این سلول‌ها هدف مناسبی برای دستکاری و مداخلات ژنتیکی، تحقیقات درمانی در پزشکی بازساختی و آزمایش‌های بیولوژیکی محسوب می‌شوند.

۱. گروه علوم درمانگاهی، دانشکده دامپزشکی، دانشگاه رازی، کرمانشاه، ایران
۲. استادیار، گروه علوم درمانگاهی، دانشکده دامپزشکی، دانشگاه رازی، کرمانشاه، ایران

۳. دانشیار، گروه علوم درمانگاهی، دانشکده دامپزشکی، دانشگاه رازی، کرمانشاه، ایران

*نشانی نویسنده مسئول:

گروه علوم درمانگاهی دانشکده دامپزشکی دانشگاه رازی، کرمانشاه، ایران
تلفن: ۰۸۳۳۸۳۲۰۰۴۱ - ۰۸۳۳۸۳۴۵۲۵
دورنیش: ۰۸۳۳۸۳۲۰۰۴۱

پست الکترونیک: peymanrahimi@razi.ac.ir

تاریخ پذیرش نهایی: ۱۴۰۲/۰۲/۲۰
تاریخ دریافت: ۱۴۰۱/۰۲/۱۱

جمعیت سلول‌های بنیادی اسپرماتوگونی در میان دیگر سلول‌های زایای بیضه، کم می‌باشد (۰/۰۳ درصد). تمامی تلاش محققان و سمت و سوی تحقیقات، به سمت خلوص هر چه بیشتر کشت و تکثیر این سلول‌ها در شرایط آزمایشگاهی می‌باشد [۲]. کشت آزمایشگاهی این سلول‌ها ابزاری مهم برای تکثیر و ایجاد تغییر در این جمعیت سلولی نادر به شمار می‌رود و کشت طولانی مدت سلول‌های اسپرماتوگونی بنیادی، به عنوان روشی جهت دستیابی به اکتشافاتی از قبیل خودنویسایی و تمایز این سلول‌ها استفاده می‌شود؛ لذا جایگاهی خاصی در علم بیوتکنولوژی دارد [۳]. سلول‌های سرتولی به عنوان تنها سلول‌های پیکری در لولهای اسپرم‌ساز در واکنش مستقیم با سلول‌های اسپرماتوگونی بنیادی از طریق ترشح فاکتورهای رشدی همانند فاکتور نوروتروپیک مشتق شده از گلیال، فاکتور رشد فیبروبلاست، فاکتور شبکه انسولین (IGF-1)، فاکتور سلول بنیادی (SCF)، فاکتور رشد اپیدرمی (EGF) و سیگنال‌های پاراکرین در تعادل میان تمایز سلول‌های بنیادی اسپرماتوگونی و تکثیر آن‌ها نقش اصلی دارند. فاکتور رشد شبه‌انسولین نوع یک (IGF-1) پیتید کوچکی است که به صورت باندشده در سرم، به سمت پروتئین‌هایی با توانایی چسبندگی بالا

کشتارگاه صنعتی بیستون واقع در ۳۰ کیلومتری شهر کرمانشاه تهیه و پس از کشتار به همراه اسکروتوم از لاشه جدا گردید و سریعاً در مجاورت یخ و ظرف، در مدت کمتر از ۱ ساعت به آزمایشگاه کشت سلولی دانشکده دامپزشکی دانشگاه رازی کرمانشاه انتقال داده شدند. بهمنظور کاهش بار میکروبی احتمالی پس از شستشوی سطح بیضه با کل ۷۰ درصد و تنور ید، ۵۰ گرم از بافت پارانشیم بیضه به داخل لوله فالکون (SLP, South Korea) حاوی ۱۰ میلی لیتر محیط (Bi0-Idea, Iran) DMEM (تجاری و آنتیبیوتیک‌های Hettach, UK) انتقال داده شد و سپس سه مرتبه سانتریفیوژ (۱۵۰۰ دور در دقیقه) انجام گردید. در این مرحله پارانشیم بافت بیضه متعاقب شستشو به سلوله قیچی استریل، کاملاً قطعه قطعه شد تا بافت پارانشیم حالت شیرابهای پیدا کند. سپس با اضافه کردن آنزیم‌های کلژنаз تیپ ۲، آنزیم هیالورونیداز تیپ ۲ و آنزیم تریپسین هر کدام به غلظت ۱ میلی گرم بر میلی لیتر (Sigma, Germany)، مرحله اول هضم آنزیمی آغاز و پتی دیش به مدت ۳۰ دقیقه در انکوباتور قرار داده شد. متعاقباً تعلیق با دور ۱۰۰۰ به مدت ۲ دقیقه با دستگاه سانتریفیوژ انجام گردید. با چک کردن تعليق Olympus، IX71® زیر میکروسکوپ نوری معکوس (inverted microscope)، میزان پیشرفت در بازشدن کلاف لوله‌های اسپرم‌ساز مشاهده و مرحله دوم هضم آنزیمی آغاز شد. بدین صورت که آنزیم‌های کلژناز تیپ ۴، آنزیم هیالورونیداز تیپ ۲ با غلظت ۱ میلی گرم بر میلی لیتر و دزوکسی ریبوونوکلنаз با غلظت ۵ میکرو گرم بر میلی لیتر به تعلیق سلولی اضافه و به مدت ۳۰ دقیقه در انکوباتور (۲۰۰ دور در دقیقه) قرار داده و متناوباً پیپتاز گردید. بهمنظور توقف هضم آنزیمی، FBS با نصف غلظت محلول، به تعلیق سلولی اضافه و سپس به مدت ۲ دقیقه با دور ۱۰۰۰، سانتریفیوژ شد. نهایتاً تعلیق سلولی از فیلتر نایلونی ۶۰ میکرونی (Sartorius, Germany) عبور داده شد.

کشت سلول‌ها

درنهایت، پس از شمارش و ارزیابی درصد حیات سلول‌ها تعداد ۵۰۰۰۰ سلول در هر گوده از پلیت ۴ خانه‌ایی (TPP، سوئیس) کشت داده شد. هر پلیت که حاوی ۴ گوده است؛ به ترتیب گوده ۱ به عنوان گروه شاهد و گوده‌های ۲، ۳ و ۴ به تیمارهای ۱، ۲ و ۳ اختصاص یافت. در پایان، فاکتور شبکه رشد انسولینی-۱ (IGF-1, IGF-1, Sigma-Aldrich, Germany) به شرح زیر به هر یک از گوده‌ها افزوده گردید. ضمناً محیط کشت پایه شامل DMEM، حاوی ۱

حرکت می‌کند و آن را به عنوان یک پروتئین خاص در نظر می‌گیرد. تاکنون مطالعات مختلفی در جهت تکثیر سلول‌های بنیادی اسپرماتوگونی در محیط‌های کشت صورت گرفته است. اهداف این مطالعات تکثیر و افزایش تعداد سلول‌های بنیادی اسپرماتوگونی با استفاده از عوامل مختلفی مانند فاکتور رشد اپیدرمی [۴] و هورمون‌هایی از قبیل FSH [۵] و تستوسترون [۶] بوده است. امروزه، نقش اغلب فاکتورهای رشد از جمله فاکتور رشد شبکه انسولین-IGF ۱ در اکثر جانداران به عنوان عاملی در جهت افزایش و حفظ زنده‌مانی سلول‌های اسپرماتوگونی به اثبات رسیده است [۷]. اخیراً اثبات شده که IGF-1 خاصیت بنیادینگی و تکثیر در سیستم کشت HIF-2α- سلول‌های بنیادی اسپرماتوگونی را از طریق لوپ OCT4/CXCR4 ارتقا می‌بخشد [۷]. همچنین نقش مهم و حیاتی IGF-1 در اسپرماتوژن موش به اثبات رسیده است [۸]. مطالعاتی که تاکنون در زمینه کشت سلول‌های اسپرماتوگونی بنیادی انجام گرفته است اغلب مربوط به حیوانات آزمایشگاهی می‌باشد [۱۰, ۹]. اهمیت انجام این پژوهش از دو منظر قابل ارزیابی است: الف- با توجه به این که جداسازی و تکثیر سلول‌های بنیادی اسپرماتوگونی، پیش‌نیاز انجام تمامی آزمایش‌های بیولوژیک و نگهداری طولانی مدت این رده سلولی در محیط آزمایشگاه و متعاقب آن دستکاری‌های ژنتیکی و کاربردهای درمانی می‌باشد، ب- در خصوص بز، علی‌رغم اهمیت این حیوان در طراحی مدل‌های بیوتکنولوژی، تولید حیوانات ترازیخته و استحصال داروهای انسانی و پروتئین‌های نوترکیب شیر از جمله فاکتور انقادی شماره ۸ [۱۱] که در بیماران خاص مصرف می‌شود، مطالعات مربوط به سلول‌های بنیادی اسپرماتوگونی در این گونه دارمی دارای اهمیت است؛ بنابراین، هدف از انجام این مطالعه ارزیابی تأثیر فاکتور شبکه رشد انسولینی-۱ بر القاء کلونی‌زایی و تکثیر سلول‌های بنیادی اسپرماتوگونی بز (شاخص‌های تعداد و مساحت کلونی) در محیط آزمایشگاه در قالب یک دوره ۱۰ روزه کشت آزمایشگاهی می‌باشد.

مواد و روش‌ها

جمع آوری و استخراج نمونه

مطالعه حاضر تجربی می‌باشد و تعداد تکرار آزمایش ۵ مرتبه و زمان انجام آن، تابستان ۱۴۰۰ می‌باشد. جامعه آماری، بیضه‌های بزرگاله‌های کشتاری می‌باشد. متغیرهای مورد بررسی، تعداد و مساحت کلونی‌های اسپرماتوگونی ایجاد شده در طی مدت کشت (۱۰ روزه) می‌باشد. روش انجام مطالعه و استخراج سلول‌ها با استفاده از روش Aponte و همکاران [۱۲] با اندکی تغییر، به شرح ذیل انجام شد. بیضه بزرگاله‌های کشتارشده نبالغ ۲-۳ ماهه، از

ترپسینه شدن و سانتریفوژ به لوله فالکون انتقال داده شدند و رنگ آمیزی ایمنوستیوشیمی علیه آنتی ژن PGP9.5 با استفاده از روش حیدری و همکاران [۱۱] به شرح ذیل انجام شد: پس از جداسازی سلول‌ها، بلوک کردن اولین مکان غیراختصاصی به وسیله avidin / biotin انجام شد. بلوک مکان غیراختصاصی دیگر هم با قرار دادن اسلاید در PBS حاوی ۱۰ درصد سرم گوسفند به مدت ۳۰ دقیقه در دمای اتاق انجام گردید. سپس، اسلاید با آنتی بادی اولیه Dako، Carpenteria, USA) PGP9.5 (به رفت ۱:۱۰۰ در PBS، حاوی ۲/۵ درصد سرم بز به مدت ۱ ساعت در دمای اتاق، انکوبه شد. مقطع، پس از سه مرتبه شستشو با TBS/BSA (هر بار ۵ دقیقه) در دمای اتاق، به مدت ۴۵ دقیقه تحت تماس با آنتی بادی ثانویه (streptavidin biotinylated sheep anti-rabbit IgG, Avicenna Research Institute, Iran) قرار گرفت و مجدداً با TBS/BSA شستشو داده شد. مقطع به مدت ۳۰ دقیقه در Biosource, USA) HRP-conjugated (به مقطع، به مدت ۱۰ دقیقه رنگ نمایان گردید. سپس، اسلاید با آب مقطر کاملاً تمیز و مجدداً با هریس هماتوکسیلین، به مدت ۳۰ ثانیه رنگ آمیزی شد. دوباره با آب مقطر شستشو انجام گردید. سپس، اسلاید با الكل آب گیری، با گزیلول شفاف و با اتلان (Merck, Germany) پوشانده شد. درنهایت، سطح اسلاید به وسیله گلیسرول و PBS (نسبت ۱:۱) پوشانده شد و سلول‌ها در زیر میکروسکوپ فاز کترast و با بزرگنمایی ۴۰۰× (Olympus, Japan) مورد ارزیابی قرار گرفتند.

بررسی بیان ژن‌های اختصاصی سلول‌های بنیادی اسپرما توگونی به RT PCR

روش به منظور ارزیابی بیان ژن‌های اختصاصی، سلول‌های حاصل از کلونی اسپرما توگونی (THY-1, VASA, UCHL-1, OCT-4, pLzf, GAPDH) از روش نسخه برداری معکوس واکنش زنجیره‌ای پلیمراز (PCR-RT) استفاده و بیان ژن در سطح mRNA بررسی شد. طراحی پرایمر طبق مقالات قبلی [۱۲] صورت پذیرفت (جدول شماره ۱). در روز دهم کشت به منظور استخراج RNA، پس از ترپسینه کردن و شمارش، تعداد یک میلیون سلول برای انجام آزمایش برداشته شد. RNA با استفاده از کیت تجاری (RNA-SPIN™, INTRON, Korea) استخراج گردید. عملیات استخراج طبق دستورالعمل کیت انجام و سپس، با استفاده از دستگاه UV اسپکترو فوتومتری، غلظت نمونه‌ها بررسی شد. RT-PCR با استفاده از کیت (VeTek™, One Step Premix Kit,)

در صد آنتی بیوتیک (پنی سیلین - استرپتومایسین - جنتامایسین) و ۵ در صد FBS بود.

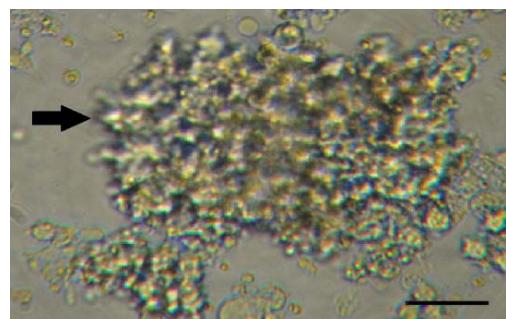
۱- گروه شاهد: محیط کشت پایه (شامل DMEM، حاوی ۱ درصد آنتی بیوتیک، ۵ در صد FBS) بدون افزودن فاکتور شبه رشد انسولینی - ۱

۲- تیمار ۱: محیط کشت پایه حاوی فاکتور شبه رشد انسولینی - ۱ با غلظت ۱۰ نانوگرم بر میلی لیتر

۳- تیمار ۲: محیط کشت پایه حاوی فاکتور شبه رشد انسولینی - ۱ با غلظت ۴۰ نانوگرم بر میلی لیتر

۴- تیمار ۳: محیط کشت پایه حاوی فاکتور شبه رشد انسولینی - ۱ با غلظت ۱۰۰ نانوگرم بر میلی لیتر

سپس پلیت به انکوباتور ۳۷ درجه سانتی گراد و رطوبت ۸۰ درصد و دی اکسید کربن ۵ درصد منتقل و به مدت ۱۰ روز کشت داده شد و هر ۳ روز یکبار محیط کشت تعویض گردید. محیط کشت پایه شامل DMEM، حاوی ۱ درصد آنتی بیوتیک (پنی سیلین - استرپتومایسین - جنتامایسین)، ۵ درصد FBS، ۱۰ نانوگرم بر میلی لیتر (Sigma-Aldrich, Germany) و ۱۰ نانوگرم LIF (Sigma-Aldrich, Germany) بود. تعویض محیط کشت هر ۷۲ ساعت یکبار انجام شد و تعداد کلونی‌ها با استفاده از میکروسکوپ معکوس مجهر به عدسی مدرج، شمارش و قطر کلونی‌ها اندازه گیری شد (شکل شماره ۱). سپس با نرم افزار Image J (version ; National Institutes of Health , Bethesda , MD, US) مساحت کلونی‌ها بر حسب میلی متر مربع محاسبه گردید.



شکل شماره ۱- کلونی سلول بنیادی اسپرما توگونی در روز دهم کشت با پیکان مشخص شده است. میله: ۲۰ میکرومتر

شناسایی سلول‌های بنیادی اسپرما توگونی با استفاده از ایمنوستیوشیمی

جهت شناسایی سلول‌های اسپرما توگونی تیپ A در روز دهم کشت، از رنگ آمیزی ایمنوستیوشیمی علیه آنتی ژن PGP9.5 (UCHL-1) استفاده شد. بدین ترتیب که سلول‌ها پس از

درنهایت، مقدار ۱۰ میکرولیتر محلول حاوی RNA به درون چاهک منتقل شد. مدت زمان الکتروفورز ژن به طور متوسط، ۴۵ دقیقه بود. سپس، ژل با دستگاه ترانس لومینوت (France, UVP) مورد ارزیابی قرار گرفت.

(INTRON, South Korea) و طبق دستورالعمل کیت و با استفاده از ترمومیکلر (BIORAD, USA) انجام پذیرفت. جهت آشکارشدن بیان ژن‌ها از ژل آگاروز با غلظت ۱/۵ درصد در بافر Gel x استفاده شد. رنگ‌آمیزی ژل با استفاده از رنگ TAE RedTM (Biotium Inc, Hayward CA, USA) انجام گردید.

جدول شماره ۱- نام و مشخصات پرایمر ژن‌های اختصاصی سلول‌های بنیادی اسپرما توگونی مورد مطالعه

نام ژن	GAPDH	PLZF	VASA	THY-1	UCHL-1	Reverse primer	Forward primer	جفت باز (bp)	دماز ذوب (C°)
OCT-4						GGCTGTGCTAACTGGCTA	TCTTGGAGATTCCGCTG	۲۱۹	۵۳/۵
PLZF						CGCCTTGGTGGGACTCA	CCTCAGATGACAACGACACG	۲۲۴	۵۷/۷
GAPDH						TGAAGTCGCAGGAGACAACC	TGCCGCCTGGAGAAACC	۱۲۱	۵۹
UCHL-1						ACACTCGGACCACGTCTTC	GGTTCTCTTGAAAGGTGTTC	۳۱۴	۵۸
THY-1						AAGGCATCCGTCCATCAAG	TTCAGGCAGCCCACGATG	۱۴۶	۵۲
VASA						GTCACAGGGAGATGAAGTC	CGTCTCCAATAAGGATGTC	۱۴۶	۵۸

روش تجزیه و تحلیل آماری

نتایج
ارزیابی کلونی‌های سلول‌های بنیادی اسپرما توگونی ارزیابی تعداد و مساحت کلونی‌ها در پنج نوبت انجام شد که میانگین آن‌ها در روزهای چهارم، هفتم و دهم بعد از کشت اندازه‌گیری شد و نمودار آن به صورت میانگین \pm خطای استاندارد (Mean \pm SE) در جدول شماره ۲ و ۳ قید گردید. همان‌گونه که در جدول شماره ۲ مشاهده می‌شود تعداد کلونی‌ها در تیمار ۳ (دوز ۱۰۰ نانوگرم بر میلی‌لیتر) در تمامی روزهای شمارش (روزهای چهارم، هفتم و دهم) به ترتیب با مقادیر ۹۷/۷۵ \pm ۵۹/۵۷، ۱۴۲/۵ \pm ۵۱/۱۶ و ۱۳۳/۹۲ \pm ۴۲/۹ در مقایسه با گروه شاهد (بدون ماده افزودنی) با مقادیر ۱۸/۹۶، ۵۲/۲۵ \pm ۲۱/۹۹ و ۷۱/۵ \pm ۲۱/۹۹ از نظر آماری اختلاف معنی‌داری داشت ($P<0.05$).

متغیرهای این مطالعه، تعداد و مساحت کلونی‌ها (میلی‌متر مریع) می‌باشد. ابتدا داده‌های جمع‌آوری شده از لحاظ نرمالیه ارزیابی شد. به علت عدم توزیع نرمال داده‌های مربوط به تعداد و مساحت کلونی، داده‌ها با استفاده از تست جانسون (Johnson Transformation) و با نرم‌افزار Minitab ویرایش ۱۶، نرمال شدند. سپس مقایسه میانگین تعداد و مساحت کلونی‌های سلول‌های بنیادی اسپرما توگونی در تیمارهای مختلف و در روزهای گوناگون کشت و همچنین مقایسه میانگین تعداد کل و مساحت کل کلونی‌های سلول‌های بنیادی اسپرما توگونی به کمک مدل آماری General Linear Model و با آزمون ANOVA (به همراه Tukey and Fisher) در سطح ۵ درصد تست‌های تکمیلی (Tukey and Fisher) در سطح ۵ درصد (Tukey and Fisher) و با استفاده از نرم‌افزار Minitab ویرایش ۱۶، صورت گرفت.

جدول شماره ۲- میانگین (Mean \pm Std) تعداد کلونی‌های سلول‌های اسپرماتوگونی (حروف متفاوت در هر ستون، بیانگر اختلاف معنی دار می‌باشد).
($P < 0.05$)

روز ۱۰	روز ۷	روز ۴	گروه شاهد
۷۹ \pm ۱۹/۶۱ ^a	۷۱/۵ \pm ۲۱/۹۹ ^a	۵۲/۲۵ \pm ۱۸/۹۶ ^a	تیمار ۱ (۱۰ نانوگرم بر میلی لیتر)
۹۷ \pm ۵۳/۶ ^a	۱۰۶ \pm ۲۶/۶۱ ^a	۷۹/۵ \pm ۳۰/۰۳ ^a	تیمار ۲ (۴۰ نانوگرم بر میلی لیتر)
۹۲/۷۵ \pm ۴۴/۱ ^a	۶۶/۵ \pm ۲۷/۳۶ ^a	۸۳/۲۵ \pm ۴۲/۰۷ ^a	تیمار ۳ (۱۰۰ نانوگرم بر میلی لیتر)
۱۳۳/۹۲ \pm ۴۲/۹ ^b	۱۴۲/۵ \pm ۵۱/۱۶ ^b	۹۷/۷۵ \pm ۵۹/۰۷ ^b	

معنی داری دارد ($P < 0.05$). علاوه بر آن مساحت کلونی‌ها در گروه تیمار ۱ (دوز ۱۰ نانوگرم بر میلی لیتر) روز هفتم (0.6 ± 0.37) و دهم (0.0 ± 0.064) به طور معنی داری از گروه شاهد (0.37 ± 0.17) و تیمار ۲ (0.93 ± 0.38) بیشتر بود. این اختلافات از نظر آماری معنی دار می‌باشد ($P < 0.05$).

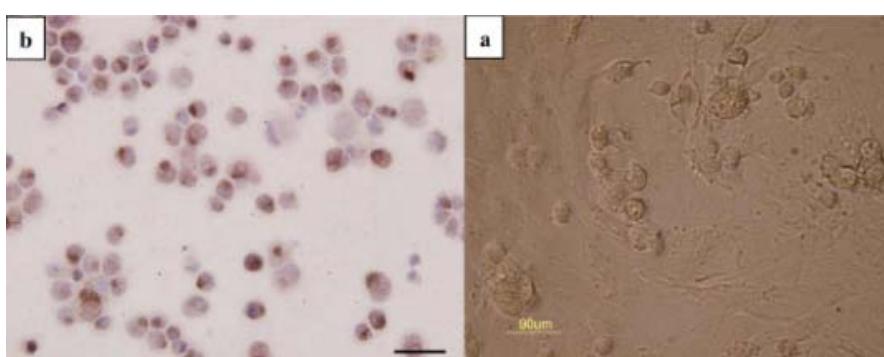
همان‌گونه که در جدول شماره ۳ مشاهده می‌شود مساحت کلونی‌ها در روز چهارم، هفتم و دهم در گروه تیمار ۳ (دوز ۱۰۰ نانوگرم بر میلی لیتر) به ترتیب با مقادیر 0.87 ± 0.74 , 0.41 ± 0.47 , 0.38 ± 0.084 , 1.65 ± 0.49 با گروه شاهد که به ترتیب مقادیر 0.5 ± 0.16 , 0.37 ± 0.017 را داشت، از نظر آماری اختلاف

جدول شماره ۳- میانگین مساحت کلونی‌های سلول‌های اسپرماتوگونی (میانگین‌ها با حرروف متفاوت در داخل هر ستون، دارای اختلاف معنی دار ($P < 0.05$) هستند). مساحت کلونی‌ها بر حسب میلی‌متر مربع است

روز ۱۰	روز ۷	روز ۴	گروه شاهد
۰/۰۱۶ \pm ۰/۰۵ ^a	۰/۰۱۷ \pm ۰/۳۷ ^a	۰/۳۸ \pm ۰/۰۸۴ ^a	تیمار ۱ (۱۰ نانوگرم)
۰/۵۷ \pm ۰/۶۴ ^b	۰/۶ \pm ۰/۳۷ ^b	۰/۲۱ \pm ۰/۰۵۱ ^a	تیمار ۲ (۴۰ نانوگرم)
۰/۳۸ \pm ۰/۹۳ ^a	۰/۰۳۲ \pm ۰/۷۸ ^a	۰/۲۱ \pm ۰/۰۸۶ ^a	تیمار ۳ (۱۰۰ نانوگرم)
۱/۶۵ \pm ۰/۴۹ ^c	۱/۱۴۱ \pm ۰/۴۷ ^c	۰/۰۸۷ \pm ۰/۰۷۴ ^c	

رنگ قهوه‌ای درآمدند که نشان‌دهنده‌ی بیان مارکر PGP9.5 است که آنتی‌زن اختصاصی سطحی سلول‌های اسپرماتوگونی می‌باشد.

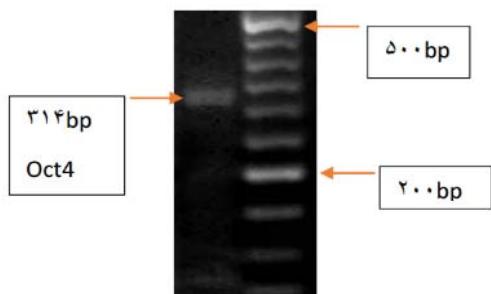
انجام آزمایش ایمنوستیوشیمی جهت تعیین هویت سلول‌ها همان‌گونه که در شکل شماره ۲ مشاهده می‌شود سیتوپلاسم سلول‌های بنیادی اسپرماتوگونی با استفاده از نشانگر مخصوص به



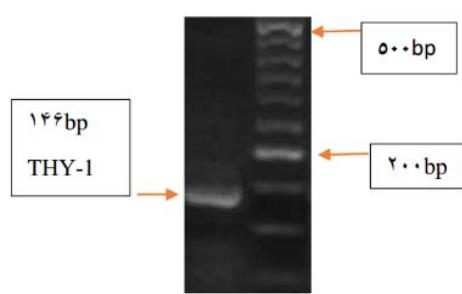
شکل شماره ۲- a: سلول‌های استخراج شده قبل از رنگ‌آمیزی ایمنوستیوشیمی، b: رنگ‌آمیزی ایمنوستیوشیمی، PGP9.5 که سیتوپلاسم سلول‌های اسپرماتوگونی به رنگ قهوه‌ای درآمده است.

که در تصاویر شماره ۳ تا ۸ نشان داده شده است. در این مطالعه از ژن GAPDH به عنوان ژن خانه‌دار جهت بیان ژن‌های اختصاصی سلول‌های بنیادی اسپرماتوگونی استفاده شد.

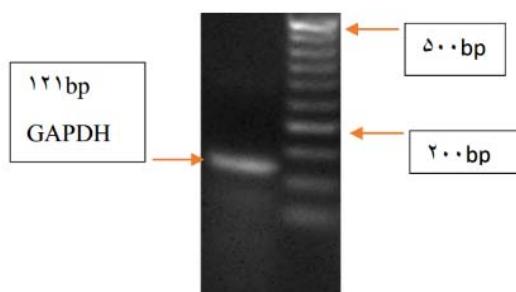
بررسی بیان ژن با استفاده از RT-PCR بیان ژن‌های شاخص سلول‌های اسپرماتوگونی در سطح mRNA، با استفاده از تکنیک RT-PCR انجام شد که نتایج حاکمی از بیان ژن‌های اختصاصی اسپرماتوگونی پس از ۱۰ روز کشت بود



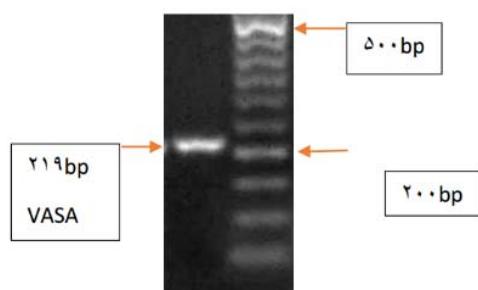
شکل شماره ۷- بیان ژن OCT-4 سلول اسپرماتوگونی بز روی ژل آگاروز ۱/۵ درصد (راست: Ladder، چپ: گروه آزمون)



شکل شماره ۳- بیان ژن THY-1 سلول اسپرماتوگونی بز روی ژل آگاروز ۱/۵ درصد (راست: Ladder، چپ: گروه آزمون)



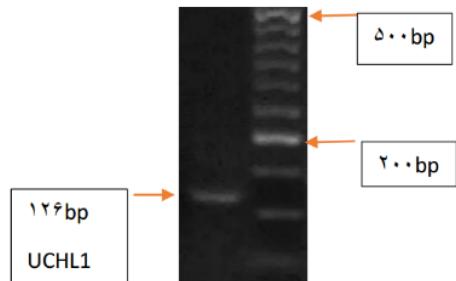
شکل شماره ۸- بیان ژن GAPDH سلول اسپرماتوگونی بز روی ژل آگاروز ۱/۵ درصد (راست: Ladder، چپ: گروه آزمون)



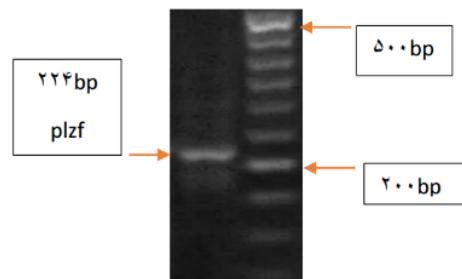
شکل شماره ۴- بیان ژن VASA سلول اسپرماتوگونی بز روی ژل آگاروز ۱/۵ درصد (راست: Ladder، چپ: گروه آزمون)

بحث

هدف اصلی این تحقیق، جداسازی و تکثیر سلول‌های اسپرماتوگونی بنیادی بز در محیط آزمایشگاه و بررسی اثرات فاکتور رشد شبه‌انسولین-۱ در افزایش مقدار رشد و کلونی‌زایی سلول‌های اسپرماتوگونی بنیادی بز در شرایط آزمایشگاهی و تعیین بهترین دوز تأثیرگذار فاکتور رشد شبه‌انسولین-۱ بر تعداد و مساحت کلونی سلول‌های اسپرماتوگونی در شرایط آزمایشگاه بود. تاکنون، نشانگر بیوشیمیابی یا ریخت‌شناسی کاملاً اختصاصی برای سلول‌های بنیادی اسپرماتوگونی کشف نشده است؛ با این حال استفاده از ترکیب تعدادی از این مارکرها قطعاً اطلاعات مهمی درخصوص چندوچون، وضعیت و ماهیت سلول‌های جداسده ارائه می‌دهد. از این‌رو، در این مطالعه بهمنظور تأیید وجود سلول اسپرماتوگونی در طول مدت کشت، از نشانگرهای تقریباً اختصاصی سلول‌های زایا (THY-1، UCHL-1(PGP9.5)، VASA، plzf، OCT-4) با استفاده از تکنیک RT-PCR بهره گرفته شد و بیان نشانگرهای فوق تا حد زیادی اثبات‌کننده وجود این دسته از سلول‌ها (اسپرماتوگونی) در میان سلول‌های جداسده و کشت‌شده در طی مدت آزمایش می‌باشد. OCT4، یک نشانگر عمومی سلول‌های بنیادی است و همچنین در سلول‌های اسپرماتوگونی موش و سایر حیوانات نیز بیان می‌شود [۱۴، ۱۳] و Plzf، به عنوان یک نشانگر اختصاصی اسپرماتوگونی در بسیاری از گونه‌ها پذیرفته شده است [۱۵]. ژن THY-1، برای



شکل شماره ۵- بیان ژن UCHL-1(PGP9.5) سلول اسپرماتوگونی بز روی ژل آگاروز ۱/۵ درصد (راست: Ladder، چپ: گروه آزمون)



شکل شماره ۶- بیان ژن plzf سلول اسپرماتوگونی بز روی ژل آگاروز ۱/۵ درصد (راست: Ladder، چپ: گروه آزمون)

رشد بر سلول‌های اسپرماتوگونی خوک پرداختند. نتایج حاصل از آن مطالعه، دوز بهینه IGF-1 را ۲۰ نانوگرم بر میلی لیتر ذکر کرده‌اند؛ البته در آن مطالعه اثر ترکیبی چند فاکتور رشد به صورت همزمان بررسی شد که احتمال اثرات متقابل و بعض‌اهم افزایی را بالا می‌برد [۲۸] براساس تحقیقی که Palma و همکاران انجام دادند به محیط حاوی سرم گاو محلول، میزان ۱۰، ۵۰ و ۱۰۰ نانوگرم بر میلی لیتر IGF-1 سلول‌های گرانولوزا افزودند و دریافتند که در هیچ‌کدام از مرحله‌های تقسیم سلولی، با افزودن مقدار ۱۰ نانوگرم بر میلی لیتر تغییری مشاهده نشد اما از روز ۱ به بعد، افزودن ۱۰۰ نانوگرم بر میلی لیتر IGF-1 باعث افزایش معنی‌داری در تقسیم سلولی و رشد IGF-1 بلاستوسیست‌ها می‌شود [۲۹]. مکانیسم محتمل برای LeRoith و همکاران توضیح داده شده است به این ترتیب که فاکتور رشد شبه‌انسولین-۱ به گیرنده‌های تیروزین کیناز خود متصل می‌شوند و این اتصال باعث فعال‌شدن مسیرهای mitogen- phosphoinositide 3-OH kinase/Akt activated protein kinase کیناز می‌شود که آن هم به نوعی خود باعث افزایش سلول‌ها و افزایش زنده‌مانی آن‌ها می‌گردد [۳۰]. همچنین در مطالعه‌ای که توسط Lin و همکاران در سال ۲۰۲۰ انجام پذیرفت دیده شد که زنده‌مانی سلول‌های کاردیومیوسیت که در معرض بیان پیش از اندازه IGF-1 بوده‌اند، پیشتر گشته و آپوپتوزیس آن‌ها تا حد زیادی سرکوب شد. این محققان مکانیسم مؤثر در این حالت را ناشی از مسیر (SFRP2) / AKT عنوان کردند [۳۱]. احتمالاً فاکتور شبه‌رشد انسولینی-۱ در دوز خاص از طریق سرکوب نسبی گیرنده‌های ژن‌های مرتبط با آپوپتوز از جمله Bcl2 و BAX به رشد و کیفیت کلونی‌های اسپرماتوگونی کمک می‌نماید [۳۲].

نتیجه‌گیری

براساس نتایج حاصل از این مطالعه، افزودن مقدار ۱۰۰ نانوگرم بر میلی لیتر فاکتور رشد شبه‌انسولین-۱ به محیط کشت سلول‌های بنیادی اسپرماتوگونی بز در شرایط آزمایشگاهی می‌تواند اثر مثبتی بر رشد کلونی‌ها در دوره کوتاه‌مدت کشت (۱۰ روزه) داشته باشد. با توجه به مطالعات مشابه دیگر، احتمالاً این فاکتور رشد از طریق مهار مرگ سلولی و کمک به افزایش زنده‌مانی، در این امر مؤثر می‌باشد.

تشکر و قدردانی

نویسنده‌گان هیچ تضاد منافعی را گزارش نکردند. این مقاله مستخرج از پایان‌نامه دوره دکتری عمومی دامپزشکی می‌باشد و تمامی هزینه‌های آن از محل بودجه مصوب پایان‌نامه‌های دانشجویی

نخستین بار به عنوان نشانگر سطحی سلول‌های بنیادی اسپرماتوگونی تمایز نیافرده در جوندگان، انسان و گاو، مورد استفاده قرار گرفت [۱۶، ۱۷]. عباسی و همکاران بیان آن را در بز نیز به اثبات رساندند [۱۲]. ژن VASA، یکی از فاکتورهای اساسی برای بقا و حفظ عملکرد سلول‌های زایاست [۱۸] که Bahadorani و همکاران بیان این ژن در سلول‌های اسپرماتوگونی بزرگ‌نشان دادند [۱۹]. در مطالعه حاضر نشانگر PGP9.5 با آزمایش این‌موستیوشیمی رديابی شد و سلول‌های جدنشده، این نشانگر را بیان کردند و سیتوپلاسم به رنگ قهوه‌ای درآمد. در مطالعه‌ای که حیدری و همکاران روی سلول‌های بنیادی اسپرماتوگونی بزرگ‌نشان دادند، برای حصول اطمینان از ماهیت سلول‌های اسپرماتوگونی جداسازی شده، از نشانگرهای اختصاصی PGP9.5 استفاده کردند [۱۱]. همچنین در مطالعات زندی و همکاران [۵] و عباسی و همکاران [۱۲] بیان نشانگر سطحی PGP9.5 جهت رنگ‌آمیزی سلول‌های اسپرماتوگونی بزرگ استفاده شده و به اثبات رسیده است که نتایج مطالعه حاضر نیز بسیار شبیه این مطالعات می‌باشد. این ژن در سلول‌های پیش‌ساز زایای نر بیان می‌شود اما در سلول‌های سوماتیک بیانی ندارد؛ از این‌رو به عنوان نشانگر مطلوب سلول‌های بنیادی اسپرماتوگونی در بیضه محسوب می‌شود [۲۱، ۲۲]. فاکتور رشد شبه‌انسولین-۱ شامل یک زنجیره پیشیدی متشكل از ۷۰ آمینو اسید با ۳ پل دیسلوفیدی است و همولوگ پروانسولین می‌باشد [۲۳]. فاکتور رشد شبه‌انسولین-۱ مرگ برنامه‌ریزی شده سلول را مهار می‌کند و دارای اثرات میتوژنیک روی سلول‌های است [۹]. در این مطالعه، افزودن IGF-1 با دوز ۱۰۰ نانوگرم، بیشترین اثر را بر تزايد سلول‌های اسپرماتوگونی داشت. محیط کشت غنی با ۱۰۰ نانوگرم بر میلی لیتر IGF-1، سبب تکثیر و افزایش نرخ زنده‌مانی سلول‌های اسپرماتوگونی گاو، متعاقب انجام شد [۹]. مشاهده گردیده این خاصیت IGF-1 (تفویت تکثیر و کلونی‌زایی) وابسته به دوز می‌باشد. IGF-1، از طریق مسیر سیگنالینگ PI3K/Akt و تنظیم فاکتور رونویسی OCT4 در جهت حفظ خاصیت بنیادینگی سلول‌های اسپرماتوگونی، نقش ایفا می‌کند. همچنین IGF-1 تقسیم سلولی را از فاز G2/M، تنظیم می‌نماید [۲۴] و ممکن است اثرات میتوژنیک آن نیز در مطالعه حاضر بواسطه این مکانیسم باشد. Solgi و همکاران در مطالعه‌ای گزارش کردند که دوز بهینه فاکتور رشد شبه‌انسولین-۱ در کشت سلول‌های اسپرماتوگونی گوسفند، ۱۰۰ نانوگرم بر میلی لیتر می‌باشد [۲۶]. در مطالعه دیگر دیده شد که استفاده از IGF-1 با دوز ۱۰۰ و ۱۵۰ نانوگرم بر میلی لیتر، سبب بهبود و ارتقاء خاصیت بنیادینگی سلول‌های اسپرماتوگونی گوسفند می‌شود [۲۷]. همچنین Xin Zhao و همکاران در سال ۲۰۲۲ به بررسی اثرات برخی فاکتورهای

توسط حوزه معاونت پژوهشی دانشگاه رازی تأمین شده است.

References:

- [1] Kanatsu-Shinohara M, Ogonuki N, Matoba S, Morimoto H, Shiromoto Y, Ogura A, et al. Regeneration of spermatogenesis by mouse germ cell transplantation into allogeneic and xenogeneic testis primordia or organoids. *Stem Cell Rep* 2022; 17(4): 924-35.
- [2] Kadivarian H, Alimohammadi S, Rahimi-Feyli P, Moghaddam AA. Evaluation of the effect of follicle stimulating hormone (FSH) on survival and colonization of caprine spermatogonial stem cells during in vitro culture (Persian). *Qom UMSJ* 2020; 13(12): 1-12. [in Persian]
- [3] Nagano M, Ryu BY, Brinster CJ, Avarbock MR, Brinster RL. Maintenance of mouse male germ line stem cells in vitro. *Bio Reprod* 2003; 68(6): 2207-14.
- [4] Lee R, Park HJ, Lee WY, Han MG, Park JH, Moon J, et al. Effect of Epidermal Growth Factor on the Colony-formation Ability of Porcine Spermatogonial Germ Cells. *Biotechnol Bioproc E* 2021; 26: 677-87.
- [5] Zandi A, Rahimi-Feyli P, Moghaddam AA. Effect of testosterone on ovine spermatogonial colony formation in-vitro (Persian). *Feyz* 2016; 20 (3): 205-13. [in Persian]
- [6] Kuo YC, Au HK, Hsu JL, Wang HF, Lee CJ, Peng SW, et al. IGF1R promotes symmetric self-renewal and migration of alkaline phosphatase+ germ stem cells through HIF-2 α -OCT4/CXCR4 loop under hypoxia. *Stem Cell Rep* 2018; 10(2): 524-37.
- [7] Yao J, Zuo H, Gao J, Wang M, Wang D, Li X. The effects of IGF-1 on mouse spermatogenesis using an organ culture method. *Biochem Biophys Res Commun* 2017; 491(3): 840-7.
- [8] Qasemi-Panahi B, Tajik P, Movahedin M, Moghaddam G, Geranmayeh MH. Study of insulin-like growth factor 1 effects on bovine type a spermatogonia proliferation and viability. *Turk J Vet Anim Sci* 2014; 38(6): 693-8.
- [9] Xi HM, Ren YJ, Ren F, Li Y, Feng TY, Wang Z, et al. Recent advances in isolation, identification, and culture of mammalian spermatogonial stem cells. *Asian J Androl* 2022; 24(1): 5-14.
- [10] Heidari B, Rahmati-Ahmabadi M, Akhondi MM, Zarnani AH, Jeddi-Tehrani, et al. Isolation, identification, and culture of goat spermatogonial stem cells using c-kit and PGP9. 5 markers. *J Assist Reprod Genet* 2012; 29(10): 1029-38.
- [11] Aponte PM, Soda T, Teerds KJ, Mizrak SC, Van de Kant H J, De Rooij DG. Propagation of bovine spermatogonial stem cells in vitro. *Reprod* 2008; 136(5): 543-57.
- [12] Abbasi H, Tahmooraspur M, Hosseini, SM, Nasiri Z, Bahadorani, M, Hajian M, et al THY1 as a reliable marker for enrichment of undifferentiated spermatogonia in the goat. *Theriogenology* 2013; 80(8): 923-32.
- [13] Hermann B, Sukhwani M, Hansel M, Orwig K. Spermatogonial stem cells in higher primates: are there differences to those in rodents? *Reprod* 2010; 139(3): 479-93.
- [14] Kubota H, Avarbock MR, Brinster RL. Growth factors essential for self-renewal and expansion of mouse spermatogonial stem cells. *Proc Natl Acad Sci U S A*. 2004; 101(47): 16489-94.
- [15] Zargarzadeh M, Tajik P, Movahedin M, Akbari G, Qasemi-Panahi B. Immediate cryopreservation of isolated Ghezel ram spermatogonial stem cells and subsequent co-culture with Sertoli cells preserve their survival and functional capacity. *Eurasia J Biosci* 2019; 13(2): 1129-35.
- [16] Reding SC, Stepnoski AL, Cloninger EW, Oatley JM. THY1 is a conserved marker of undifferentiated spermatogonia in the pre-pubertal bull testis. *Reprod* 2010; 139(5): 893-903.
- [17] Givelet M, Firlej V, Lassalle B, Sophie Gille A, Lapoujade C, Holtzman I, et al. Transcriptional profiling of β -2M $^+$ SP α -6 $^+$ THY1 $^+$ spermatogonial stem cells in human spermatogenesis. *Stem Cell Report* 2022; 17(4): 936-52.
- [18] Azizi H, Ranjbar M, Rahaiie S, Govahi M, Skutella T. Investigation of VASA Gene and Protein Expression in Neonate and Adult Testicular Germ Cells in Mice in Vivo and In Vitro. *Cell J* 2020; 22(2): 171-7.
- [19] Bahadorani M, Hosseini MS, Abbasi H, Abedi P, Nasr-Esfahani M H. Effect of different serum concentrations on short term in vitro culture of goat testicular cells. *Russ J Dev Biol* 2016; 47(5): 269-77.
- [20] Ahmadi M, Rahimi-Feyli P, Moghaddam A, Alimohammadi S. Assessment of the cryoprotective effects of fetal bovine serum (FBS) and trehalose on the viability rate of caprine spermatogonial stem cells (Persian). *Feyz* 2021; 25(1): 714-23. [in Persian]
- [21] Choi Y, Jung Y, Kim S, Kim J, Jung H, Yoon M. Stage-Dependent Expression of Protein Gene Product 9.5 in Donkey Testes. *Animals*. 2020; 10(11): 2169.
- [22] Song H, Park HJ, Lee WY, Lee KH. Models and Molecular Markers of Spermatogonial Stem Cells in Vertebrates: To Find Models in Nonmammals. *Stem Cells Int* 2022; 2022.
- [23] Al-Samerria S, Radovick S. The Role of Insulin-like Growth Factor-1 (IGF-1) in the Control of Neuroendocrine Regulation of Growth. *Cells*. 2021; 10(10):2664.
- [24] Huang YH, Chin CC, Ho HN, Chou CK, Shen CN, Kuo HC, et al. Pluripotency of mouse spermatogonial stem cells maintained by IGF-1-dependent pathway. *FASEB J* 2009; 23(7):2076-87

- [25] Solgi M, Rahimi-Feyli P, Nikousefat Z, Moghaddam, AA. Effect of insulin-like growth factor (IGF-1) on proliferation of ovine spermatogonia stem cells. *Onl J Vet Res* 2016; 20(5): 327-34.
- [26] Binsila BK, Selvaraju S, Ghosh SK, Ramya L, Arangasamy A, Ranjithkumaran R, Bhatta R. EGF, GDNF, and IGF-1 influence the proliferation and stemness of ovine spermatogonial stem cells in vitro. *J Assist Reprod Genet* 2020; 37: 2615–30.
- [27] Zhao X, Wan W, Li B, Zhang X, Zhang M, Wu Z, Yang H. Isolation and in vitro expansion of porcine spermatogonial stem cells. *Reprod Domest Anim* 2022; 57(2): 210-20.
- [28] Palma GA, Müller M, Brem G. Effect of insulin-like growth factor I (IGF-I) at high concentrations on blastocyst development of bovine embryos produced in vitro. *J Reprod Fertil* 1997; 110(2): 347-53.
- [29] LeRoith D, Roberts CT. The insulin-like growth factor system and cancer. *Cancer Lett* 2003; 195(2): 127-37.
- [30] Lin M, Liu X, Zheng H, Huang X, Wu Y, Huang A, et al. IGF-1 enhances BMSC viability, migration, and anti-apoptosis in myocardial infarction via secreted frizzled-related protein 2 pathway. *Stem Cell Res Ther* 2020; 11: 22.
- [31] Alinejad G, Khorrami N, Tajik P. Effect of IGF-I on the colonizing ability, viability and apoptosis related genes expression in sheep's spermatogonial stem cells. *Vet Res Biol Prod* 2022.